

<b>Angewandte Bioinformatik</b>					
<b>Kennnummer</b>	<b>Workload</b> 90 Std.	<b>Credits/LP</b> 3	<b>Studiensemester</b> 3	<b>Häufigkeit des Angebots</b> Jedes Semester	<b>Dauer</b> 1 Semester
<b>1</b>	<b>Lehrveranstaltungen</b> a) Angewandte Bioinformatik	<b>Sprache</b> a) Deutsch	<b>Kontaktzeit</b> a) 22,5 Std.	<b>Selbststudium</b> a) 67,5 Std.	<b>Geplante Gruppengröße</b> a) 50
<b>2</b>	<b>Lernergebnisse/Kompetenzen</b> Nach erfolgreicher Teilnahme am Modul können die Studierenden ...  <b>Wissen (1)</b> ... Grundlegende bioinformatische Begriffe definieren  <b>Verständnis (2)</b> ... verschiedene biologische Datenbanken beschreiben  <b>Anwendung (3)</b> ... Sequenzvergleiche mittels geeigneter Software erstellen ... Suchanfragen in verschiedenen biologischen Datenbanken durchführen				
<b>3</b>	<b>Inhalte</b> a) Bioinformatische Grundlagen, Biologische Datenbanken, Suchanfragen, Sequenzvergleiche				
<b>4</b>	<b>Lehrformen</b> a) Blended Learning				
<b>5</b>	<b>Teilnahmevoraussetzungen</b> Pflichtmodul Mathematik für Biologie und Medizin sollte absolviert sein.				
<b>6</b>	<b>Prüfungsformen</b> a) Prüfungsleistung 1K (Klausur) (3 LP)				
<b>7</b>	<b>Verwendung des Moduls</b> Molekulare und Technische Medizin B.Sc. (MTZ)				
<b>8</b>	<b>Modulbeauftragte/r und hauptamtlich Lehrende</b> Prof. Dr. Matthias Kohl (Modulverantwortliche/r)				

<b>9</b>	<b>Literatur</b> a) Merkl, Waack (2009). Bioinformatik interaktiv: Algorithmen und Praxis. Wiley-VCH Verlag.
----------	-----------------------------------------------------------------------------------------------------------------